

1/6

1 M E L A L L C G L V V M A - G V I P I Q G G I L N L N K M V 2641779
1 M K V L L L L A V V I M A F G S I Q V Q G S L L E F G Q M I GI 204319

30 K Q V T G K M P I L S Y W P Y G C H C G L G G R G Q P K D A 2641779
31 L F K T G K R A D V S Y G F Y G C H C G V G G R G S P K D A GI 204319

60 T D W C C Q T H D C C Y D H L K T Q G C G I Y K D Y Y R Y N 2641779
61 T D W C C V T H D C C Y N R L E K R G C G T K F L T Y K F S GI 204319

90 F S Q G N I H C S D K G S W C E Q Q L C A C D K E V A F C L 2641779
91 Y R G G Q I S C S T N Q D S C R K Q L C Q C D K A A E C F GI 204319

120 K R N L D T Y Q K R L R F Y W R P H C R G Q T P G C 2641779
121 A R N K K S Y S L K Y Q F Y L N K F C K G K T P S C GI 204319

FIGURE 1

2/6

```

1  - - - - - M I F V E - - L S P T L A L C L E R V A S H 1430683
1  M S F I D P Y Q H I V V E H Q Y S H V F T V T V - R K A T N GI 508625

21  L T D T G L - - - - - L V L F C P A P - - C P - - 1430683
30  V T K G A I G D M L D T P D P Y V E L F I P S A P D C R K R GI 508625

37  - - - - - F F F F F E M - - - - - 1430683
60  T K H F N N D V N P V W N E T F E F I L D P N Q D N V L E V GI 508625

44  - - - - - E S L S V A Q A G V Q W R D L G S L Q P 1430683
90  T L M D A N Y V M D E T L G M A T F P I S S L K L G E K K E GI 508625

64  P P L G F K R F S C L S L P S S W D Y R L R E L A V R L G F 1430683
120 V Q L T F N N V T E M T L E L S L E V C - S S T D L R F S M GI 508625

94  G P C A E E Q A F L S R R K Q V V A A L R Q A L Q L D G - 1430683
149 A L C D E E K K F R Q Q R K D N I M Q S M K S F L G E E N S GI 508625

123 - D L Q E D - E I P V V A I M A T G G G I R A M T S L Y G Q 1430683
179 K N L T T S R D V P V I A V L G S G G G F R A M V G F A G V GI 508625

151 L A G L K E L G L L D C V S Y I T G A S G S T W A L A N L Y 1430683
209 M K A L Y E S G V L D C A T Y I A G L S G S T W Y M S T L Y GI 508625

181 E D P E W S Q K D L A G P T E L L K T Q V T K N K L G V L A 1430683
239 S H P D F P E K G P K E I N Q E L M N S V S H N P L L L L T GI 508625

```

FIGURE 2A

3/6

211 P S Q L Q R Y R Q E L A E R A R L G Y P S C F T N L W A - L 1430683
 269 P Q K V K R Y I E A L W N K K S S G Q P V T F T D I F G M L GI 508625

 240 I N E A L L H D E P H D H K L S D Q R E A L S H G Q N P L P 1430683
 299 I G E T L I H N - R M D T T L S D M K E K V S E A Q C A L P GI 508625

 270 I Y C A L N T K G Q S L T T F E F G E W C E F S P Y E V G F 1430683
 328 L F T C L H V K P D - V S E L M F A D W V E F S P Y E I G M GI 508625

 300 P K Y G A F I P S E L F G S E F F M G Q L M K R L P E S R I 1430683
 357 A K Y G T F M S P D L F G S K F F M G T V V K K Y S E N P L GI 508625

 330 C F L E G I W S N L Y A A N L Q D S L - - - - - Y 1430683
 387 H F L M G V W G S A F S I L F N R V L G V S N S Q N K G P T GI 508625

 350 W A S E P S Q F W - D R W V R N Q A N L D K E Q V P L L K I 1430683
 417 M E E L E N I R L K H L V S N D S S D S E D E S Q H P K G GI 508625

 379 E E P P S T A - - - - - G R I A E F F T D L L T W R 1430683
 447 T E N S E A N E E Y Q N S S Q E S W V Q R M L M A L V G D S GI 508625

 400 P L - - - - - A Q A T H N F L R G L H F H K D Y F Q H P 1430683
 477 A L F N T R E G R A G K V H N F M L G L N L N S C Y P L S P GI 508625

 423 - - H F S T W K A T T L D G L P N Q L T P S E P - - - - - 1430683
 507 L A D L L T Q E S V E E D E L D A A V A D P D E F E R I Y E GI 508625

FIGURE 2B

4/6

445 - - - - - H L C L L D V G Y L I N T S C L P L L Q P T R 1430683
 537 P L D V K S K I H I V D S G L T F N L P Y P L I L R P Q R GI 508625

 468 D V D L I L S L D Y N L H G A - - - - - F Q Q L Q L L G R F 1430683
 567 G V D L I I S F D F S A R P S D S S P P F K E I L L A E K W GI 508625

 493 C Q E Q G I P F P P I S P S P E E Q L Q P R E C H T F S D P 1430683
 597 A K M N K L P F P K I D P N V F D R E G L K E C Y V F K P K GI 508625

 523 T C P G' A - - - - - P A V L H F - - - - - S S G V R 1430683
 627 D T S S E K D C P T I I H F V L A N I N F R K Y K A P G L P GI 508625

 539 R T P E E A A A - G E V N L - S S S D S P Y H Y T K V T Y S 1430683
 657 R E S K E E K D F A D F D I F D D P N T P F S T F N F Q Y P GI 508625

 567 Q E D V D K L L H L T H Y N V C N N Q E Q L L E A L R Q A V 1430683
 687 N E A F K R L H D L M E F N T L N N L D V I K Q A M M E S I GI 508625

 597 Q R R R Q R R P H 1430683
 717 E Y R K E N P S R C S V S L S S V E A R R F F N K N N L N N GI 508625

 605 1430683
 747 H T GI 508625

FIGURE 2C

1	M	P	P	G	P	W	E	S	C	F	W	V	G	G	L	I	L	W	L	S	V	G	S	S	G	D	A	P	P	T	1316804
1	M	C	P	G	L	W	G	T	C	F	W	L	W	G	S	L	L	W	L	S	I	G	R	S	G	N	V	P	P	T	g1817556
31	P	Q	P	K	C	A	D	F	Q	S	A	N	L	F	E	G	T	D	L	K	V	Q	F	L	L	F	V	P	S	N	1316804
31	T	Q	P	K	C	T	D	F	Q	S	A	N	L	L	R	G	T	N	L	K	V	Q	F	L	L	F	T	P	S	D	g1817556
61	P	S	C	G	Q	L	V	E	G	S	S	D	L	Q	N	S	G	F	N	A	T	L	G	T	K	L	I	I	H	G	1316804
61	P	G	C	G	Q	L	V	E	D	S	D	I	R	N	S	E	F	N	A	S	L	G	T	K	L	I	I	H	G	g1817556	
91	F	R	V	L	G	T	K	P	S	W	I	D	T	F	I	R	T	L	L	R	A	T	N	A	N	V	I	A	V	D	1316804
91	F	R	A	L	G	T	K	P	S	W	I	N	K	F	I	R	A	L	L	R	A	A	D	A	N	V	I	A	V	D	g1817556
121	W	I	Y	G	S	T	G	V	Y	F	S	A	V	K	N	V	I	K	L	S	L	E	I	S	L	F	L	N	K	L	1316804
121	W	V	Y	G	S	T	G	M	Y	F	S	A	V	E	N	V	V	K	L	S	L	E	I	S	R	F	L	S	K	L	g1817556
151	L	V	L	G	V	S	E	S	S	I	H	I	I	G	V	S	L	G	A	H	V	G	G	M	V	G	Q	L	F	G	1316804
151	L	E	L	G	V	S	E	S	S	I	H	I	I	G	V	S	L	G	A	H	V	G	G	M	V	G	H	F	Y	K	g1817556
181	G	Q	L	G	Q	I	T	G	L	D	P	A	G	P	E	Y	T	R	A	S	V	E	E	R	L	D	A	G	D	A	1316804
181	G	Q	L	G	R	I	T	G	L	D	P	A	G	P	E	Y	T	R	A	S	L	E	E	R	L	D	S	G	D	A	g1817556
211	L	F	V	E	A	I	H	T	D	T	D	N	L	G	I	R	I	P	V	G	H	V	D	Y	F	V	N	G	G	Q	1316804
211	L	F	V	E	A	I	H	T	D	T	D	N	L	G	I	R	I	P	V	G	H	V	D	Y	F	V	N	G	G	Q	g1817556

FIGURE 3A

241	DQPGCP	TFYAGY	SYL	ICD	HMR	AVH	LYI	SA	1316804
241	DQPGCP	AFIH	AGY	SYL	ICD	HMR	AVH	LYISA	g1817556
271	LEN	SCPL	MAFP	CA	SYK	AF	LAG	RCLDCFNPF	1316804
271	LEN	TCPL	MAFP	CA	SYK	AF	LAG	DCCLDCFNPF	g1817556
301	LL	SCPR	IGLV	EQ	GGV	KIE	PLPK	EVK VYLLT	1316804
301	LL	SCPR	IGLV	ER	GGV	KIE	PLPK	EV R VYLLQT	g1817556
331	TSS	APY	CMH	HS	LV	EF	HL	KE LRNKDTNIEVT	1316804
331	TSS	APY	CV	HH	SL	VF	NL	KE LRNKDTNIEVT	g1817556
361	FL	SSNI	TSS	SK	IT	IP	KQ	RYGKI IAHATP	1316804
361	FL	GN	NVTSS	V	KIT	IP	KD	HL EGRGI IAHQNP	g1817556
391	QC	QIN	QVK	F	K	FQ	SS	NRVWKKDR	1316804
391	HC	QIN	QVK	L	K	F	HS	SRVWRKDR	g1817556
421	TA	L	LP	V	N	D	R	EKMVCLPEPVNLQASVTVSCD	1316804
421	TA	P	LP	V	N	D	SK	KTVCIP	g1817556
451	L	K	I	A	C	V			1316804
451	L	K	M	A	C	V			g1817556

FIGURE 3B